

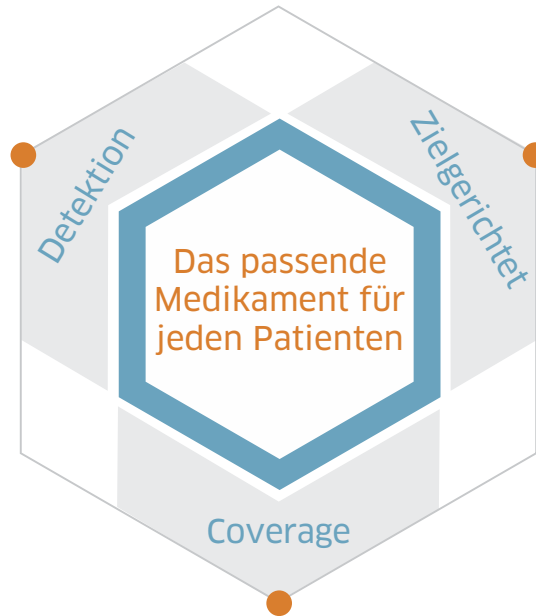
Zusätzliche Behandlungsmöglichkeiten für Ihre Patienten



Über FoundationOne®

Bei dem validierten umfassenden Tumorprofil von FoundationOne® wird die gesamte codierende Sequenz von 315 krebsassoziierten Genen plus ausgewählten Introns aus 28 Genen analysiert, die bei soliden Tumoren häufig verändert sind. Weil FoundationOne® eine Vielzahl von klinisch relevanten Veränderungen erkennt, ergeben sich durch den Test potentiell zusätzliche Behandlungsmöglichkeiten: Jedem Patienten werden passend zu den molekularen Veränderungen in seinem Tumor zielgerichtete Therapien und klinische Studienprogramme zugeordnet.

Alle 4 relevanten Klassen an genetischen Veränderungen für ein umfassendes Tumorprofil werden analysiert



Umfasst die kompletten kodierenden Regionen von > 300 Krebsgenen + ausgewählte Introns von 28 bei Krebs häufig rekombinierten Genen

Hohe, einheitliche, einzigartige Coverage aller Zielgene*

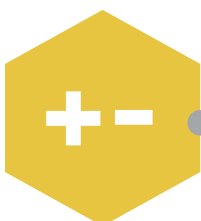
* Eine höhere Coverage bei der Sequenzierung macht den Test nicht besser oder genauer. Eine einheitliche Coverage der gesamten Zielregion ist zur Identifizierung aller Veränderungen essenziell.

Worin unterscheidet sich das umfassende Tumorprofil FoundationOne® von der HotSpot-Testung?

Es gibt vier Klassen von genetischen Veränderungen, die das Tumorwachstum fördern.

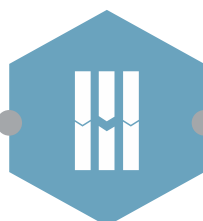
BASEN-SUBSTITUTIONEN

BRAFV600E
BRAF-Inhibitor



INSERTIONEN UND DELETIONEN

EGFR Exon 19 Deletion
EGFR-Inhibitor



KOPIENZAHL VARIATIONEN

HER2 Amplifikation
HER2-Inhibitor

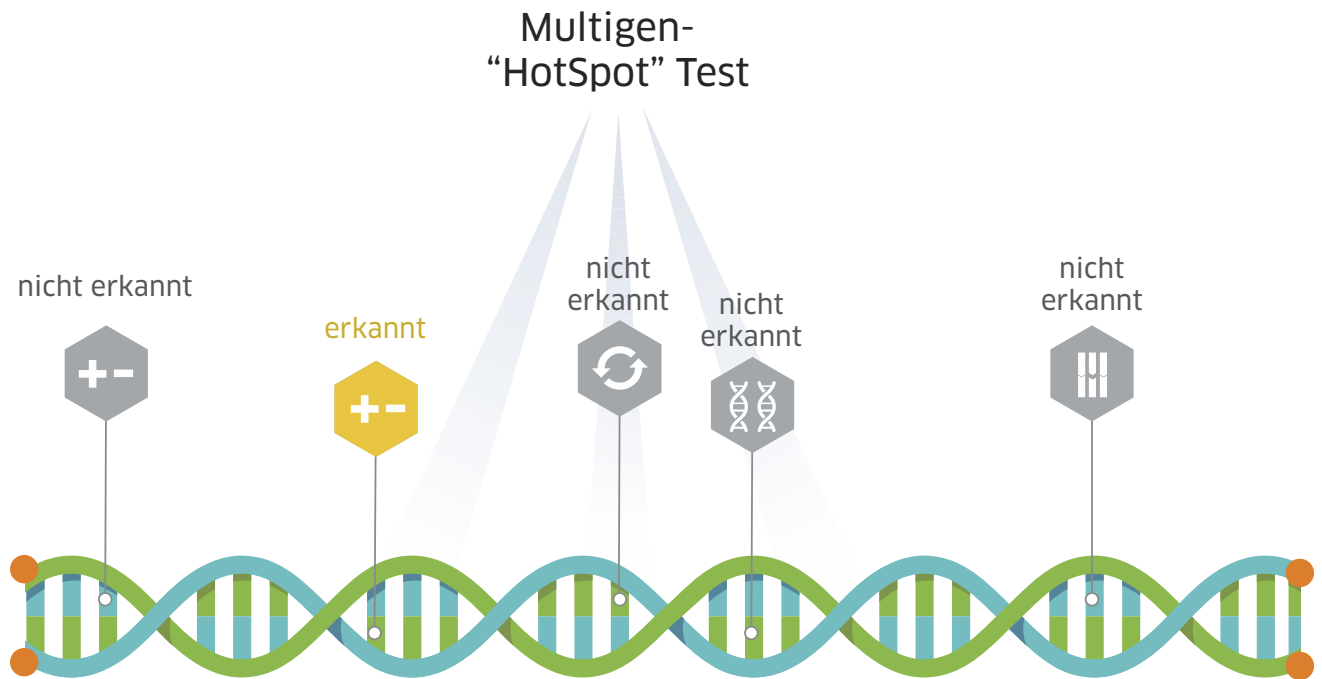


GENREKOMBINATIONEN

ALK-Fusion
ALK-Inhibitor



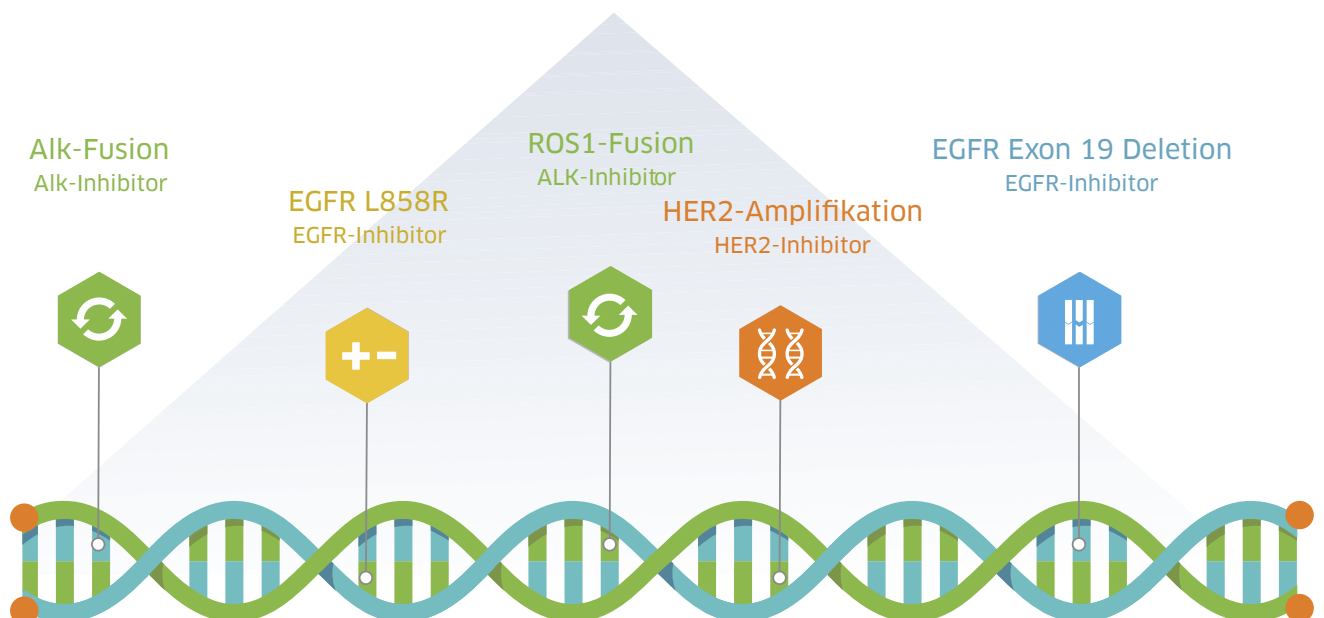
Hotspot-Tests ermitteln nur eine oder zwei Klassen dieser genetischen Veränderungen. Der umfassende Ansatz von FoundationOne® zur Tumorphilerstellung ist in der Lage, alle Klassen genetischer Veränderungen mit einer Spezifität von >99 % zu erkennen.*



* Fichtenholtz A, Otto GA, et al., „Development and validation of a clinical cancer genomic profiling test based on massively parallel DNA sequencing“. Nat Biotechnol. 20. Okt. 2013.



Umfassendes Tumorprofil



Warum FoundationOne®?



Umfassender Ansatz liefert zuverlässige Ergebnisse

- Erkennt alle Klassen von genetischen Veränderungen – Basensubstitutionen, Insertionen/Deletionen, Kopienzahlvariationen und Genrekombinationen.
- FoundationOne® ist das einzige umfassende Tumorprofil, das auf einer Validierungsstudie basiert, welche die branchenführende Genauigkeit des Verfahrens belegt und in einer anerkannten wissenschaftlichen Fachzeitschrift veröffentlicht wurde.*

Zusätzliche Behandlungsmöglichkeiten für Ihre Patienten

- Standardtests wie FISH und IHC sowie Hotspot-Panels erkennen in der Regel nur eine oder zwei Klassen klinisch relevanter Veränderungen.
- FoundationOne® kann mehr zielgerichtete Behandlungsmöglichkeiten für Ihre Patienten aufzeigen als Standard-Hotspot-Panels.*

Spart Gewebematerial und Zeit

- Benötigt nur eine geringe Menge an Gewebe, einschließlich Routine-Biopsate und Feinnadelaspirate.*
- Funktioniert auch bei Proben mit hohem Anteil an nicht-Tumorzellen.*

Anwendbare Ergebnisse zusammengefasst in einem Bericht

- Alle ermittelten klinisch relevanten genetischen Veränderungen werden auf Grundlage des aktuellen wissenschaftlichen Kenntnisstands und veröffentlichter klinischer Daten mit zielgerichteten Therapien und klinischen Studienprogrammen abgeglichen.
- > 20 Bioinformatiker und Wissenschaftler mit medizinisch-biologischem Hintergrund sowie modernste Algorithmen tragen dazu bei, dass im FoundationOne®-Bericht die für einen Patienten klinisch relevantesten Informationen verfügbar sind.

ARTICLES

**nature
biotechnology**

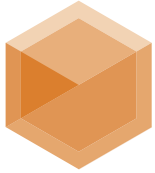
Development and validation of a clinical cancer genomic profiling test based on massively parallel DNA sequencing

Garrett M Frampton^{1,9}, Alex Fichtenholtz^{1,9}, Geoff A Otto¹, Kai Wang¹, Sean R Downing¹, Jie He¹, Michael Schnall-Levin¹, Jared White¹, Eric M Sanford¹, Peter An¹, James Sun¹, Frank Juhn¹, Kristina Brennan¹, Kiel Iwanik¹, Ashley Maillet¹, Jamie Buell¹, Emily White¹, Mandy Zhao¹, Sohail Balasubramanian¹, Selmira Terzic¹, Tina Richards¹, Vera Banning¹, Lazaro Garcia¹, Kristen Mahoney¹, Zac Zwirko¹, Amy Donahue¹, Himisha Beltran^{2,3}, Juan Miguel Mosquera^{3,4}, Mark A Rubin^{3,4}, Snjezana Dogan⁴, Cyrus V Hedvat⁵, Michael F Berger⁵, Lajos Pusztai⁶, Matthias Lechner⁷, Chris Boshoff⁷, Mirna Jarosz¹, Christine Vietz¹, Alex Parker¹, Vincent A Miller¹, Jeffrey S Ross^{1,8}, John Curran¹, Maureen T Cronin¹, Philip J Stephens¹, Doron Lipson¹ & Roman Yelensky¹

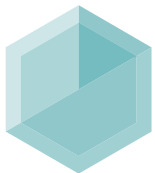
* Frampton GM, Fichtenholtz A, Otto GA, et al., „Development and validation of a clinical cancer genomic profiling test based on massively parallel DNA sequencing“. Nat Biotechnol. 20. Okt. 2013.

Patienten, die von FoundationOne® profitieren können

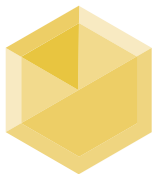
FoundationOne® liefert ein umfassendes molekulares Tumorprofil, das Ärzte in ihren Therapieentscheidungen für Krebspatienten unterstützt, indem es die krebsassoziierten genetischen Veränderungen ermittelt.



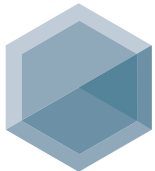
Patienten mit Erstdiagnose eines **Nicht-kleinzelligen Bronchialkarzinoms Stadium IV (NSCLC)**.



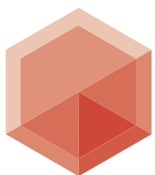
Patienten mit Erstdiagnose eines **seltenen soliden Tumors Stadium IV**, für die klinische Behandlungsleitlinien nur eingeschränkte oder gar keine systemischen Therapiemöglichkeiten aufzeigen.



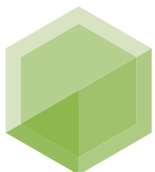
Patienten mit Erstdiagnose eines **aggressiven soliden Tumors Stadium IV mit schlechter Prognose, sehr geringem Ansprechen auf den Behandlungsstandard sowie einer hohen Prävalenz von behandelbaren molekularen Veränderungen** (z. B. Pankreaskarzinom).



Patienten mit Erstdiagnose einer **Krebserkrankung mit unbekanntem Primärtumor (CUP)**.



Patienten mit soliden Tumoren Stadium IV, die bereits alle **etablierten leitlinienbasierten systemischen Therapien und entsprechenden molekularen Testverfahren durchlaufen haben** und deren Allgemeinzustand eine weitere systemische Therapie erlaubt.



Patienten mit soliden Tumoren, **bei denen nur begrenzt Biopsat vorliegt**.

FoundationOne® liefert ein umfassendes molekulares Tumorprofil, das Ärzten weiterführende Informationen zur Behandlung von Patienten bereitstellt. Die oben genannten Patientengruppen sind das Ergebnis einer Analyse von klinischen Proben in der Foundation Medicine Datenbank, die Informationen über die genetischen Veränderungen von tausenden Tumorproben enthält.



Goldstandard für die Erstellung von umfassenden molekularen Tumorprofilen

68.000+
PATIENTENPROFILE

120+
PUBLIKATIONEN



30+ PHARMAPARTNER
SETZEN FOUNDATIONONE® IM
EINSCHLUSSVERFAHREN KLINISCHER
PRÜFUNGEN EIN

300+ KLINISCHE PRÜFUNGEN



250+
POSTER UND
PRÄSENTATIONEN